

FIGURE 1

1/4

Human neuropeptide Y - Y7 sequence alignment

hy1p	1		M N S T L F S Q V E N H S V H S	16
hy2p	1		M G P I G A E A D E N Q T V E E M K V E Q Y G P Q I	26
hy7p	1		- M F I M N E K W D T N S S E N W H P I W N V N D I	25
hy1p	17	N F S E K N A Q L L A F E N D D C H L P L A M I F T L A L A Y G A V I		52
hy2p	27	T P R G E L V P D P E P E L I D S T K L I E V Q V V L I L A Y C S I I L		62
hy7p	26	K H H L Y S D I N I T Y V N Y Y L H Q P - Q V A A I F I I S Y F L I F F		60
hy1p	53	L G V S G N L A L I I I I L K Q K E M R N V T N I I L I V N I S F S D L L		88
hy2p	63	L G V I G N S L V I H V V I K F K S M R T V T N F F I A N L A V A D L L		98
hy7p	61	L C M M G N T V V C F I V M R N K H M H T V T N L P I L N L A I S D L L		96
hy1p	89	V A I M C L P F T F V Y T L M D H W V F G E A M C K L N P F V Q C V S I		124
hy2p	99	V N T L C L P F T L T Y T L M G E W K M G P V L C H L V P Y A Q G L A Y		134
hy7p	97	V G I F C M P I T L L D N I I A G W P F G N T M C K I S G L V Q G I S V		132
hy1p	125	T V S I F S L V L I A V E R H Q L I I N P R G W R P N N R H A Y V G I A		160
hy2p	135	Q V S T I T T V I A L D R H R C I V Y H L E S K I S K R I S F L I I G		170
hy7p	133	A A S V F T L V A I A V D R F Q C V V Y P F K P K L T I K T A F V I I M		168
hy1p	161	V I W V L A V A S S L P F L I Y Q V M T D E P F Q N V T L D - - A Y K		193
hy2p	171	L A W G I S A L L A S P L A I - - - - - - - - P R E Y S L I E I I P D F		198
hy7p	169	I I W V L A I T I M S P S A V M L H V Q E E K Y Y R V R L N S Q N K T S		204
hy1p	194	D K Y V C F D Q F P S D S H R L S Y T T L L V - - - L Q Y F G P L C F		226
hy2p	199	E I V A C T E K W P G E E K S I Y G T V Y S L S S L L I L Y V L P I G I		234
hy7p	205	P V Y W C R E D W P N Q E M R K I Y T T V L F A N I - - - Y L A P I S L		237
hy1p	227	I F I C Y F K I Y I R L K R R N N - - - M M D K M R D N K Y R S S E T K		259
hy2p	235	I S F S Y T R I W S K L K N H V S P - - - G A A N D H Y H Q R R Q K T T K		268
hy7p	238	I V I M Y G R G I S L F R A A V P H T G R K N Q E Q W H V V S R K K Q		273
hy1p	260	R I N I M I L S I V V A F A V C W L P L T I F N T V F D W - - N H C I I		293
hy2p	269	- - - M L V C V V V V F A V S W L P L H A Q L A V D I - - D S Q V L		298
hy7p	274	K I I K M L L I V A L L F I L S W L P L W T L M M L S D Y A D L S P N E		309
hy1p	294	A T C N H N I L F L L C H L T A M I S T C V N P I F Y G F L N K N P Q R		329
hy2p	299	D L K E Y K L I F T V F H I I A M C S T F A N P L L Y G W M N S N Y R K		334
hy7p	310	L Q I I I N I Y I Y P F A H W L A F G N S S V N P T I I Y G F F N E N F R P		345
hy1p	330	D L Q F F F I N F C D F R S R D D D Y E T I A M S T M H T D V S K T S L K		365
hy2p	335	A F L S A F R C E Q R L D A I H S E V S V T F K A K K N L E V R K N S G		370
hy7p	346	G F Q E A F Q L Q L C Q K R A K P M E A Y T L K A K S H V L I N T S N Q		381
hy1p	366	Q A S P V A K K I N N N D D N E K I		384
hy2p	371	P N D S F T E A T N V		381
hy7p	382	L V Q E S T F Q N P H G E T L L Y R K S A E N P N R N		408

FIGURE 2

2/4

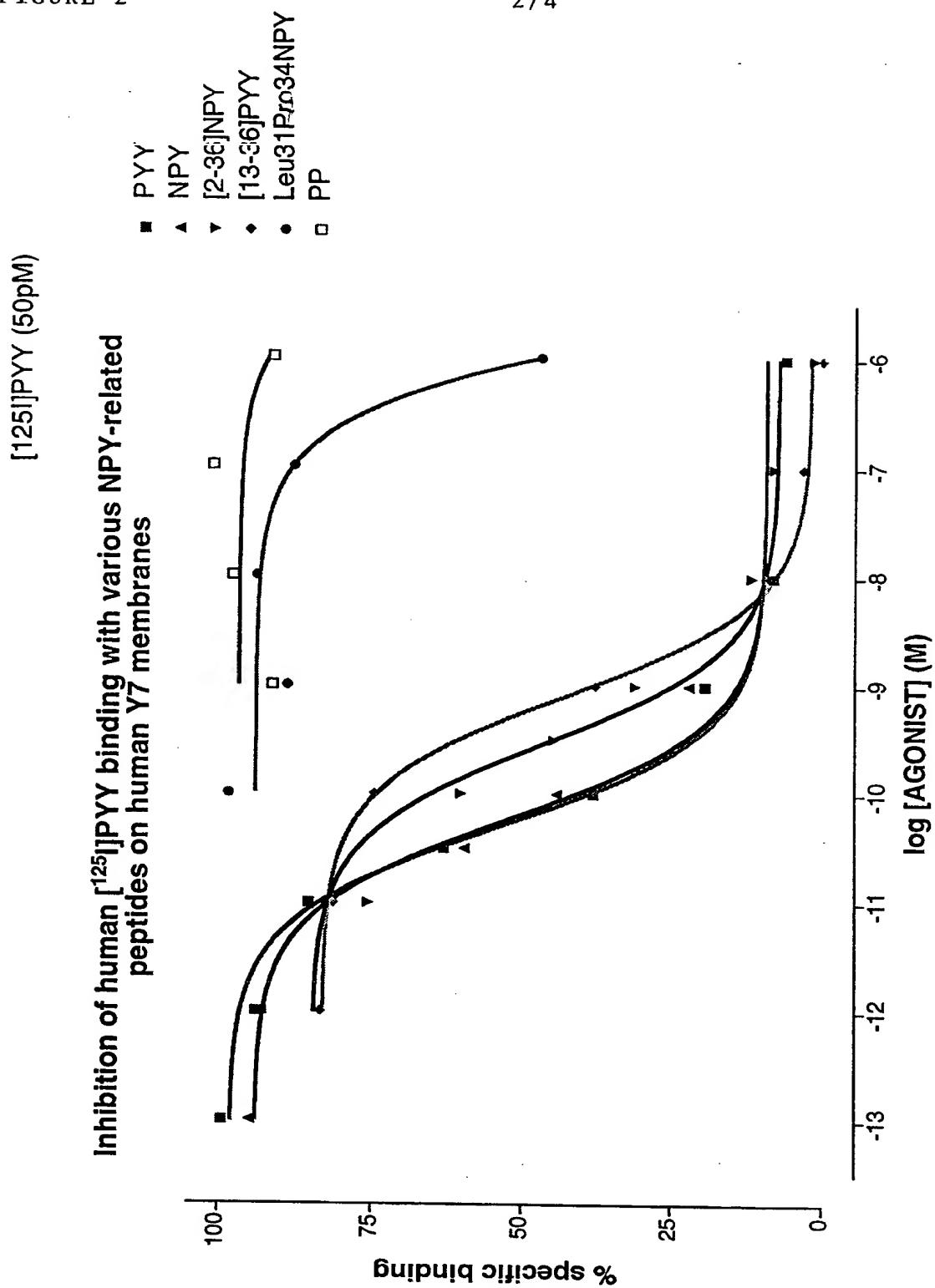


FIGURE 3

3/4

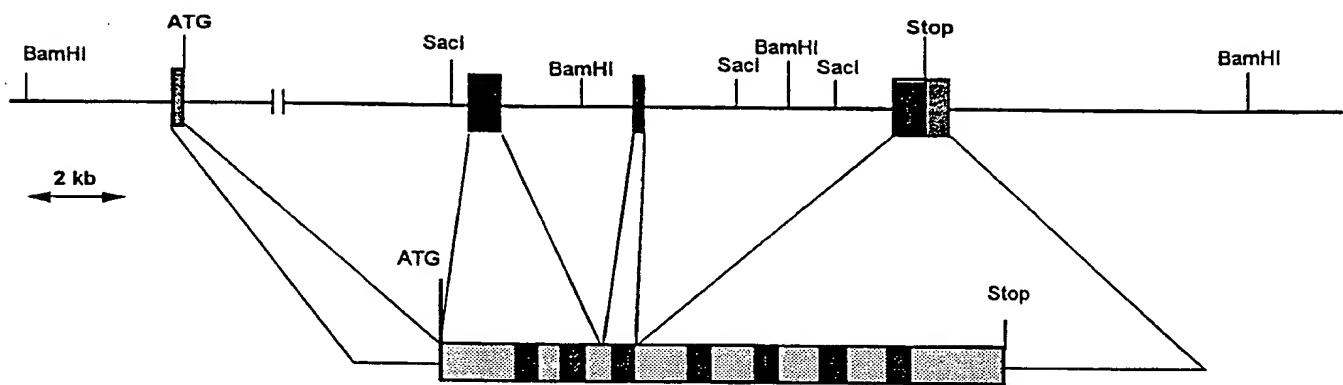
Mouse NPY-Y7 Gene

FIGURE 4

4 / 4

Human-Mouse NPY Y7 Receptor Alignment

hy7	1	M F I M N E K W D T N S S E N W H P I W N V N D T K H H L Y S D I N I T Y V	38
mY7	1	M S T M S E K W D S N S S E S W N H I W S G N D T Q H H W Y S D I N I T Y V	38
hy7	39	N Y Y L H Q P Q V A A I F I I I S Y F L I F F L C M M G N T V V C F I V M R N	76
mY7	39	N Y Y L H Q P Q V A A V F I S S Y L L I F V L C M V G N T V V C F I V I R N	76
hy7	77	K H M H T V T N L F I L N L A I S D L L V G I F C M P I T L L D N I I A G W	114
mY7	77	R H M H T V T N F L I L N L A I S D L L V G I F C M P I T L L D N I I A G W	114
hy7	115	P F G N T M C K I S G L V Q G I S V A A S V F T L V A I A V D R F Q C V V Y	152
mY7	115	P F G S S M C K I S G L V Q G I S V A A S V F T L V A I A V D R F R C V V Y	152
hy7	153	P F K P K L T I K T A F V I I M I I W V L A I T I M S P S A V M L H V Q E E	190
mY7	153	P F K P K L T V K T A F V T I V I I W G L A I A I M T P S A I M L H V Q E E	190
hy7	191	K Y Y R V R L N S Q N K T S P V Y W C R E D W P N Q E M R K I Y T T V L F A	228
mY7	191	K Y Y R V R L S S H N K T S T V Y W C R E D W P R H E M R R I Y T T V L F A	228
hy7	229	N I I Y L A P L S L I V I M Y G R I G I I S L F R A A V P H T G R K N Q E Q W H	266
mY7	229	I I I Y L A P L S L I V I M Y A R I G A S L F K T A A H C T G - - K Q R P V Q	264
hy7	267	V V S R K K Q K I I K M L L I I V A L L F I L S W L P L W T L M M L S D Y A D	304
mY7	265	C M Y Q E K Q K V I K M L L T V A L L F I L S W L P L W T I M M L S D Y T D	302
hy7	305	L S P N E L Q I I N I Y I Y P F A H W L A F G N S S V N P I I Y G F F N E N	342
mY7	303	L S P N K L R I I N I Y I Y P F A H W L A F C N S S V N P I I Y G F F N E N	340
hy7	343	F R R G F Q E A F Q L Q L C Q K R A K P M E A Y T I K A K S H V L I N T S N	380
mY7	341	F R N G F Q D A F Q I - - C Q K K A K P Q E A Y S I R A K R N I V I N T S G	376
hy7	381	Q L V Q E S T F C N P H G E T I L Y R K S A E N P N R N	408
mY7	377	L L V Q E P V S C N P G G E N I G C G K S A D N P H R N P	405